



PUESTO ACTUAL

Associate Team Coordinator

[Khaos Research](#) · Málaga, Andalusia, Spain

2025-12 - Actualidad

PUESTO ACTUAL

Postdoctoral researcher - FPU-POP Fellowship

[Universidad de Málaga](#) · Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) · Málaga, Andalusia, Spain

2025-12 - Actualidad

ESTANCIA ACTUAL

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

[Centre for Research and Technology Hellas, INAB|CERTH](#) · Thermi, Greece

2026-09 - 2026-09

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Inteligencia artificial

Bioinformática

Análisis de datos biomédicos

Inferencia de redes de regulación génica

Biclustering evolutivo

Detección de patrones de coexpresión

Métodos computacionales guiados por contexto

Integración de conocimiento de dominio

IA interpretable

RESUMEN DEL PORTAFOLIO

Investigador en inteligencia artificial y bioinformática centrado en métodos computacionales guiados por contexto para el análisis de datos biomédicos. Soy investigador en inteligencia artificial aplicada a bioinformática, con una base sólida en informática y trabajo en la intersección de métodos computacionales, análisis de datos biomédicos, computación evolutiva y software científico reproducible.

Mi formación académica comprende Bachelor's Degree in Health Engineering with a specialization in Bioinformatics por Universidad de Málaga; Master's degree in Software Engineering and Artificial Intelligence por Universidad de Málaga; y Ph.D. in Computer Science por Universidad de Málaga. Mi experiencia profesional abarca 5 años y 7 meses en Universidad de Málaga. Esta trayectoria se complementa con estancias de investigación de 2 meses en Kiyono Lab, perteneciente a GSES, perteneciente a The University of Osaka, ubicado en Toyonaka, Japan; 1 mes en INAB, perteneciente a Centre for Research and Technology Hellas, ubicado en Thermi, Greece; 1 mes en ORKAD, perteneciente a CRISTAL, perteneciente a Université de Lille, ubicado en Lille, France; 3 meses en Athena Research and Innovation Center in Information, Communication and Knowledge Technologies, ubicado en Athens, Greece; y 3 meses en ORKAD, perteneciente a CRISTAL, perteneciente a Université de Lille, ubicado en Lille, France, para un total de 10 meses en el extranjero.

Mi producción investigadora incluye 6 artículos de revista y 1 artículo de congreso. El registro de publicaciones incluye 2 artículos en colaboración internacional y 1 artículo en colaboración nacional. En proyectos de investigación financiados, he participado como miembro del equipo de trabajo en 4 proyectos de investigación. He revisado 15 manuscritos para revistas científicas.

El portafolio de software incluye 16 proyectos software y 4 paquetes publicados. La actividad pública de software abarca 15 repositorios, con 64 estrellas y 3 forks. El uso de paquetes suma 21.100 descargas.

Mi actividad docente incluye 4 cursos académicos en Universidad de Málaga, alcanzando 180 horas de docencia, 4 cursos académicos, 8 asignaturas y 4 titulaciones. Esta actividad docente comenzó en el curso 2022/2023 en la Universidad de Málaga, siendo en ese momento el docente más joven en incorporarse a labores docentes en el Departamento de Lenguajes y Ciencias de la Computación, algo que sería reconocido en 2026 en una carta de recomendación firmada por el director de la ETSII de la UMA. También incluye 1 proyecto de innovación docente. La supervisión académica incluye 1 trabajo fin de grado y 1 práctica externa.

La actividad de divulgación científica incluye 2 artículos de divulgación científica, 2 presentaciones, 27 noticias de prensa, 17 acciones en redes sociales y 1 acción en televisión. La cobertura en prensa abarca 14 medios. Las acciones en redes sociales con métricas disponibles acumulan 68.300 visualizaciones, con una acción destacada de 38.700 visualizaciones.

7 PUBLICACIONES TOTALES

16 PROYECTOS SOFTWARE

4 PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN

180 HORAS DE DOCENCIA

5 INSTITUCIONES DE TRABAJO

21.100 DESCARGAS DE PAQUETES

68.300 VISUALIZACIONES REGISTRADAS EN REDES

Esta trayectoria académica ha sido reconocida y apoyada mediante reconocimientos: Master's End-of-Program Extraordinary Award Profesor José María Troya Linero; Bachelor's End-of-Program Extraordinary Award Profesor José María Troya Linero; Destacad@s Awards 2021; y Award for the Best High School Academic Record; ayudas: D2 research stay grant, vinculada a Investigador postdoctoral (estancia internacional) en The University of Osaka; IMMUNO-model COST Action STSM grant, vinculada a Investigador postdoctoral (estancia internacional) en Centre for Research and Technology Hellas; ROAR-NET COST Action mobility grant, vinculada a Investigador postdoctoral (estancia internacional) en Université de Lille; FPU mobility grant, vinculada a Investigador postdoctoral (estancia internacional) en Athena Research and Innovation Center in Information, Communication and Knowledge Technologies; FPU mobility grant, vinculada a Investigador predoctoral (estancia internacional) en Université de Lille; y Predoctoral grant (FPU), vinculada a PhD candidate - FPU Fellowship en Universidad de Málaga y Postdoctoral researcher - FPU-POP Fellowship en Universidad de Málaga.

HUELLA
INVESTIGADORA Y
COLABORACIONES
EN PUBLICACIONES

COLABORACIÓN EN PUBLICACIONES

7 Artículos totales

2 Artículos internacionales

3 Países

Kyiv, Ukraine	1 artículo
Lille, France	1 artículo
Málaga, Spain	7 artículos
Valencia, Spain	1 artículo

ESTANCIAS DE INVESTIGACIÓN

4 Ciudades

3 Países

5 Estancias

10 Meses en el extranjero

Athens, Greece	3 meses
Lille, France	4 meses
Thermi, Greece	1 mes
Toyonaka, Japan	2 meses

CONTRATOS DE INVESTIGACIÓN

3 Contratos

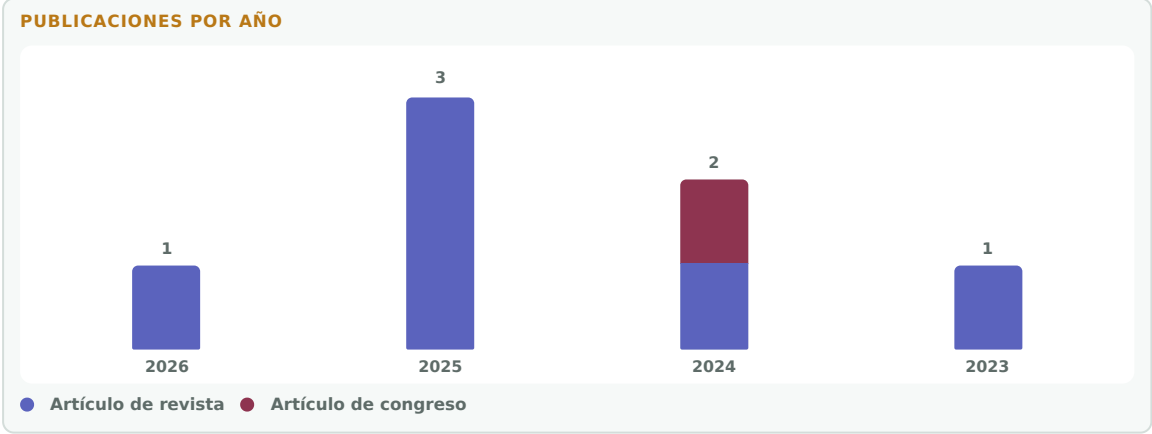
1 Ciudades

1 Países

2 Contratos activos

Málaga, Spain	3 Contratos
---------------	-------------

PUBLICACIONES



● ARTÍCULO DE REVISTA

2026-05-09

Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches

Bohdan Vodianyky, María Luisa Antequera-Gómez,
Adrián Segura-Ortiz, Anton Popov, José García-Nieto,
Ismael Navas-Delgado

Current Bioinformatics · Bentham Science Publishers Ltd.

DOI: [10.2174/0115748936437763260125211015](https://doi.org/10.2174/0115748936437763260125211015)

Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#),
[Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#),
[Instituto de Ingeniería Oceánica](#),
[National Technical University of Ukraine "Igor Sikorsky Kyiv Polytechnic Institute"](#)

Puestos: [Associate Team Coordinator](#),
[Postdoctoral researcher - FPU-POP Fellowship](#)

Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)

2025

3 ARTÍCULOS

● ARTÍCULO DE REVISTA

2025-12-06

Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach

Adrián Segura Ortiz, Antonio Jesús Nebro Urbaneja, José
Manuel García Nieto, José Francisco Aldana Montes

Computational Biology and Chemistry · Elsevier

DOI: [10.1016/j.compbiolchem.2025.108827](https://doi.org/10.1016/j.compbiolchem.2025.108827)

Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#),
[Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#)

Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)

Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)

Software: [PBEvoGen](#)

● ARTÍCULO DE REVISTA

2025-09-01

Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks

Adrián Segura Ortiz, Karen Giménez Orenge, José
Manuel García Nieto, Elisa Oltra, José Francisco Aldana Montes

Computers in Biology and Medicine · Elsevier

DOI: [10.1016/j.compbiomed.2025.110632](https://doi.org/10.1016/j.compbiomed.2025.110632)

Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#),
[Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#),
[Universidad Católica de Valencia San Vicente Mártir](#)

Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)

Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)

Software: [BIO-INSIGHT](#)

● ARTÍCULO DE REVISTA

2025-05-29

Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data

Adrián Segura Ortiz, Adán José García, Laetitia Jourdan,
José Manuel García Nieto

Computer Methods and Programs in Biomedicine

DOI: [10.1016/j.cmpb.2025.108846](https://doi.org/10.1016/j.cmpb.2025.108846)

Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#),
[Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#),
[Université de Lille](#), [CRISTAL](#), [ORKAD](#),
[INFINITE](#)

Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)

Estancias de investigación: [Investigador predoctoral \(estancia internacional\)](#)

Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#), [FPU mobility grant](#)

Software: [MOEBA-BIO](#)

● ARTÍCULO DE REVISTA2024-09-16

Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks
Adrián Segura Ortiz, José Manuel García Nieto, José Francisco Aldana Montes, Ismael Navas Delgado
Computers in Biology and Medicine
DOI: [10.1016/j.compbimed.2024.108850](#)
Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#), [Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#)
Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)
Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)
Software: [MO-GENECI](#)

● ARTÍCULO DE CONGRESO2024-06-28

Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks
Adrián Segura Ortiz, José Manuel García Nieto, José Francisco Aldana Montes
International Conference on Computational Science · Springer Nature Switzerland
DOI: [10.1007/978-3-031-63772-8_1](#)
Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#), [Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#)
Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)
Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)
Software: [Memetic-GENECI](#)

● ARTÍCULO DE REVISTA2023-02-14

GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks
Adrián Segura Ortiz, José Manuel García Nieto, José Francisco Aldana Montes, Ismael Navas Delgado
Computers in Biology and Medicine
DOI: [10.1016/j.compbimed.2023.106653](#)
Organizaciones: [Khaos Research](#), [ITIS](#), [Universidad de Málaga](#), [IBIMA Plataforma BIONAND](#)
Puestos: [PhD candidate - FPU Fellowship](#)
Ayudas: [Predoctoral grant \(FPU\)](#)
Software: [Single-GENECI](#)

SOFTWARE

ACTIVIDAD DE COMMITS

LENGUAJES

Python	53.3%
Java	16.2%
MATLAB	10.4%
JavaScript	4.5%
R	3.9%
Shell	2.3%
CSS	2.2%
Other	7.3%

16 Proyectos software

4 Paquetes publicados

25 Dominios de investigación

64 Estrellas

3 Forks

3 Issues abiertas

2026-08-28 Último push

PROYECTOS SOFTWARE

PROYECTO SOFTWARE <u>SPATHI</u> Similarity-weighted Population-Aware Transcriptional Heterogeneity Inference Herramienta Python para inferir redes de regulación génica específicas de cada grupo a partir de datos de RNA-seq de célula única, ponderando las células según su proximidad transcriptómica a cada población objetivo.	PROYECTO SOFTWARE <u>SALVI</u> Push 2026-08-04 Framework orientado a componentes para biclustering quality-diversity de datos heterogéneos con pipelines reproducibles, monitorización y salidas de biclústeres explicables. Python · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 16 commits
PROYECTO SOFTWARE <u>ANDREA</u> Push 2026-08-28 Automated Network Discovery, Reproducible Evaluation and Analysis Plataforma para flujos de descubrimiento agregado de redes, simulación, inferencia y benchmarking. Python · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 115 commits	PROYECTO SOFTWARE <u>AMIGA</u> Push 2026-06-15 Autonomous Multi-objective Individual GRN Assessment Paquete Python para selección post-Pareto basada en aprendizaje de ranking de redes de regulación génica por consenso. Python · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 17 commits
PROYECTO SOFTWARE <u>GENECI</u> Push 2026-04-24 GEne NETwork Consensus Inference Repositorio del ecosistema software GENECEI para inferencia por consenso de redes de regulación génica. Java · MIT · 52 estrellas · 3 forks · 296 commits	PROYECTO SOFTWARE <u>PBEvoGen</u> Push 2025-02-20 Preference-Based Evolutionary Gene Network Inference Framework de optimización multiobjetivo guiada por preferencias para inferencia por consenso de redes de regulación génica. Java · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 6 commits
PROYECTO SOFTWARE <u>MOEBA-BIO</u> Push 2026-07-20 Multi-Objective Evolutionary Biclustering Algorithm for BIOmedical applications Framework Java para biclustering evolutivo en datos biomédicos con integración de conocimiento de dominio y autoconfiguración de parámetros de biclustering. Java · MIT · 5 estrellas · 0 forks · 168 commits	PROYECTO SOFTWARE <u>Memetic-GENECI</u> Push 2025-02-20 Memetic GEne NETwork Consensus Inference Proyecto software derivado de Single-GENECI con una fase de búsqueda local guiada por interacciones conocidas. Java · MIT · 1 estrella · 0 forks · 11 commits
PROYECTO SOFTWARE <u>BIO-INSIGHT</u> Push 2025-02-21 Biologically Informed Optimizator - Integrating Software to Infer Grns by Holistic Thinking Proyecto software para inferencia de consenso biológicamente informada de redes de regulación génica mediante optimización evolutiva de muchos objetivos. Java · MIT · 1 estrella · 0 forks · 12 commits	PROYECTO SOFTWARE <u>MO-GENECI</u> Push 2025-02-20 Multi-Objective GEne NETwork Consensus Inference Proyecto software para inferencia multiobjetivo por consenso de redes de regulación génica usando niveles de confianza, topología y motivos biológicos recurrentes. MATLAB · MIT · 1 estrella · 0 forks · 9 commits
PROYECTO SOFTWARE <u>Hector</u> Push 2024-02-08 Software tool for workflow orchestration Orquestador de flujos de trabajo que registra el orden topológico agrupado y controla la ejecución a partir de especificaciones de componentes y definiciones. Go · 3 estrellas · 0 forks · 51 commits	PROYECTO SOFTWARE <u>Single-GENECI</u> Push 2025-02-20 Single-Objective GEne NETwork Consensus Inference Proyecto software que implementa un algoritmo evolutivo para determinar un conjunto óptimo de técnicas de aprendizaje automático para inferencia de redes de regulación génica. Python · MIT · 1 estrella · 0 forks · 7 commits

PROYECTO SOFTWARE Push 2022-12-06

PsycoTreat

Aplicación para flujos de registro y tratamiento de pacientes asociados a centros de salud mental, incluyendo roles, citas, diagnósticos, búsqueda de medicación y mensajería.

HTML · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 9 commits

PROYECTO SOFTWARE Push 2023-06-23

PrimerDesigner

Programa para diseñar un cebador universal óptimo con máxima hibridación sobre secuencias FASTA alineadas.

Java · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 8 commits

PROYECTO SOFTWARE Push 2023-09-19

KmerCounter

Proyecto Java para análisis de frecuencias de k-mers en archivos FASTA y multi-FASTA.

Java · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 4 commits

PROYECTO SOFTWARE Push 2023-09-19

DNATranslatorAnalyzer

Analizador de secuencias de ADN para construcción inversa y reverso-complementaria, cálculo de frecuencias nucleotídicas, traducción en seis marcos y detección de fragmentos con codones de parada.

Java · MIT · 0 estrellas · 0 forks · 3 commits

PAQUETES SOFTWARE

PYPI Última 4.0.1.2

GENECI

Software package whose main functionality consists of an evolutionary algorithm to determine the optimal ensemble of machine learning techniques for genetic network inference based on the confidence levels and topological characteristics of its results.

19430 descargas · 6 versiones · Python <3.11, >=3.10.7

MAVEN Última 1.0.0

MOEBA-BIO

MOEBA-BIO: Multi-Objective Evolutionary Biclustering Algorithm for BIOmedical applications.

1 versión · 14 dependencias · Java 11

PYPI Última 0.1.0

AMIGA

Learning-to-rank for post-Pareto selection of consensus gene regulatory networks

774 descargas · 1 versión · Python <3.14, >=3.11

PYPI Última 0.1.0

ANDREA

Platform for aggregated network discovery, simulation, inference, and benchmarking workflows.

896 descargas · 1 versión · Python <3.14, >=3.11

TRAYECTORIA ACADÉMICA

INSTANTÁNEA TEMPORAL

Formación
3 registros

Experiencia
6 registros

Estancias de
investigación
5 registros

Certificaciones
5 registros

Reconocimientos
4 registros

DETALLE DE TRAYECTORIA

ESTANCIA DE INVESTIGACIÓN

2026-10 - 2026-11

Kiyono Lab

Toyonaka, Japan

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

2026-10 - 2026-11

Estancia internacional postdoctoral en Kiyono Lab, Graduate School of Engineering Science, The University of Osaka.

AYUDA

2026-11-01

D2 research stay grant

2026-07 · Universidad de Málaga

Movilidad postdoctoral

2026-10 - 2026-11

ESTANCIA DE INVESTIGACIÓN**2026-09 - 2026-09****INAB|CERTH**

Thermi, Greece

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

2026-09 - 2026-09

Estancia internacional postdoctoral en el Institute of Applied Biosciences de CERTH.

AYUDA**2026-09-01****IMMUNO-model COST Action STSM grant**

COST Action CA21135 - Modelling immunotherapy response and toxicity in cancer (IMMUNO-model)

Movilidad postdoctoral

2026-09 - 2026-09

ESTANCIA DE INVESTIGACIÓN**2024-04 - 2026-07****ORKAD**

Lille, France

Investigador postdoctoral (estancia internacional) <- Investigador predoctoral (estancia internacional)

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

2026-07 - 2026-07

Estancia internacional postdoctoral en el centro CRISTAL de la Universidad de Lille centrada en biclustering evolutivo quality-diversity y experimentación reproducible para datos heterogéneos.

Investigador predoctoral (estancia internacional)

2024-04 - 2024-06

Estancia internacional predoctoral en el centro CRISTAL de la Universidad de Lille.

AYUDA**2026-07-01****ROAR-NET COST Action mobility grant**

2026-07 · COST Action CA22137 - Randomised Optimisation Algorithms Research Network (ROAR-NET)

Movilidad postdoctoral

2026-07 - 2026-07

ESTANCIA DE INVESTIGACIÓN**2026-04 - 2026-06****Athena Research Center**

Athens, Greece

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

Investigador postdoctoral (estancia internacional)

2026-04 - 2026-06

Estancia internacional postdoctoral en Athena Research Center centrada en flujos reproducibles de benchmarking para descubrimiento y evaluación de redes de regulación génica.

AYUDA**2026-06-01****FPU mobility grant**

Ministerio de Ciencia e Innovación. Universidades

Movilidad postdoctoral

2026-04 - 2026-06

EXPERIENCIA

2022-12 - Actualidad

Universidad de Málaga

Málaga, Andalusia, Spain

Postdoctoral researcher - FPU-POP Fellowship <- PhD candidate - FPU Fellowship

Postdoctoral researcher - FPU-POP Fellowship

2025-12 - Actualidad

PhD candidate - FPU Fellowship

2022-12 - 2025-12

- Diseñé algoritmos evolutivos y métodos híbridos de inteligencia artificial para problemas de bioinformática.
- Integré más de 25 técnicas de inferencia de redes de regulación génica en entornos Docker reproducibles y paquetes PyPI.
- Desarrollé algoritmos evolutivos asíncronos y paralelos para consenso de redes informado biológicamente.
- Implementé algoritmos de biclustering multiobjetivo para datos clínicos y genómicos.
- Publiqué resultados en revistas revisadas por pares y presenté trabajos en congresos con activos abiertos de reproducibilidad.
- Impartí 8 asignaturas de grado en 4 titulaciones durante 4 cursos académicos.
- Supervisé 1 trabajo fin de grado y 1 práctica externa.

EXPERIENCIA

2021-07 - Actualidad

Khaos Research

Málaga, Andalusia, Spain

Associate Team Coordinator <- Associate Software Engineer <- Junior Software Engineer

Associate Team Coordinator

2025-12 - Actualidad

Associate Software Engineer

2022-12 - 2025-12

- Desarrollé una herramienta de orquestación de flujos de trabajo en Go con almacenamiento SQLite, definiciones de componentes en JSON/YAML y soporte de ejecución en Kubernetes y Nomad.
- Administré recursos computacionales con Proxmox y vSphere para despliegue, mantenimiento y monitorización de máquinas virtuales.
- Procesé imágenes satelitales multifuente de Sentinel-2, PlanetScope y Landsat, incluyendo automatización de descargas, compuestos temporales, índices espectrales y manipulación de bandas.
- Desarrollé interfaces Gradio para ejecución de modelos de teledetección y visualización de resultados.
- Mantuve instalaciones, actualizaciones, despliegues y flujos de gestión de proyectos en OpenProject.

Junior Software Engineer

2021-07 - 2022-12

- Desarrollé aplicaciones web progresivas con Next.js y MongoDB para registro y análisis de muestras agrícolas.
- Encapsulé scripts en Python, Java y R en contenedores Docker para componentes de EnBiC2-Lab.
- Desarrollé un algoritmo evolutivo con JMetal y simulaciones EPANET para predecir propiedades de conectores de riego.
- Contribuí a interfaces Angular para ejecución de flujos de trabajo científicos.
- Gestioné tareas y coordinación de proyectos mediante OpenProject.

FORMACIÓN

2025-12-01

Ph.D. in Computer Science

2022-10 - 2025-12 · Universidad de Málaga

Outstanding (Cum Laude) with International Mention

Ayudas: Predoctoral grant (FPU)

CERTIFICACIÓN

2025-07-18

Jornadas de Formación, Mejora e Investigación Docente

Universidad de Málaga · 10 horas

CERTIFICACIÓN

2025-06-01

IMFAHE International Mentor Program Student Certificate (2024-2025)

IMFAHE

AYUDA**2024-06-01****FPU mobility grant**

2024-03 · Ministerio de Ciencia e Innovación. Universidades

Movilidad postdoctoral

2024-06

CERTIFICACIÓN**2023-12-21****Introduction to the Use of Generative Artificial Intelligence in University Teaching**Universidad de Málaga · 12 horas**RECONOCIMIENTO****2023-07-01****Master's End-of-Program Extraordinary Award Profesor José María Troya Linero**

2023-07 · Universidad de Málaga

Premio al mejor expediente académico del Máster en Ingeniería del Software e Inteligencia Artificial.

AYUDA**2022-12-01****Predoctoral grant (FPU)**

2022-12 · Ministry of Science, Innovation and Universities

Financiación de investigación predoctoral

2022-12 - Actualidad

RECONOCIMIENTO**2022-07-01****Bachelor's End-of-Program Extraordinary Award Profesor José María Troya Linero**

2022-07 · Universidad de Málaga

Premio al mejor expediente académico del Grado en Ingeniería de la Salud, considerando ambas menciones.

FORMACIÓN**2022-07-01****Master's degree in Software Engineering and Artificial Intelligence**2021-10 - 2022-07 · Universidad de Málaga

9.67/10 (With Honors in 6 subjects)

RECONOCIMIENTO**2021-11-01****Destacad@s Awards 2021**

2021-11 · BBVA, Diario Sur

Reconocimiento como uno de los tres mejores expedientes académicos de la Escuela Técnica Superior de Ingeniería Informática de la promoción 2020/2021.

FORMACIÓN**2021-07-01****Bachelor's Degree in Health Engineering with a specialization in Bioinformatics**2017-10 - 2021-07 · Universidad de Málaga

8.89/10 (With Honors in 17 subjects)

EXPERIENCIA

2021-03 - 2021-06

CIMES

Málaga, Andalusia, Spain

Student Trainee

Student Trainee

2021-03 - 2021-06

- Desarrollé un pipeline automatizado de análisis NGS para muestras tumorales en el supercomputador Picasso.
- Programé scripts en Bash y R con GNU Parallel para procesamiento de muestras a gran escala.
- Integré FastQC, MultiQC, Qualimap y vcftoolz compare para control de calidad y visualización.
- Evalué distintos alineadores y detectores de variantes para reducir falsos positivos.
- Anoté variantes usando ANNOVAR, OpenCRAVAT, MyVariant y bases de datos biomédicas.
- Detecté alteraciones en el número de copias y fusiones génicas mediante informes unificados en R.

CERTIFICACIÓN

2017-09-01

Boost Your Future - Professional Development Workshop

ESESA

RECONOCIMIENTO

2017-06-01

Award for the Best High School Academic Record

2017-06 · Málaga City Council, Education Department

IX Premios de Educación Ciudad de Málaga.

CERTIFICACIÓN

2015-07-01

Cambridge English: Preliminary (PET) - Level B1

University of Cambridge

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN E INNOVACIÓN DOCENTE

● Miembro del equipo de trabajo

● Miembro del equipo de investigación

● IP / Co-IP

PROYECTO DE INVESTIGACIÓN

2025-09-01 - Actualidad

KOSMOS: Potenciando los Ecosistemas de Compartición de Datos Federados con un Enfoque Multidimensional

Universidad de Málaga

- Código: PID2024-155363OB-C41
- Entidades financiadoras: Plan Nacional de Proyectos de Generación de Conocimiento
- Participación: Miembro del equipo de trabajo
- Investigadores principales: José Francisco Aldana Montes, José Manuel García Nieto
- Importe total: 197500 EUR

PROYECTO DE INNOVACIÓN DOCENTE

2023-01-01 - 2024-12-31

Grupos Permanentes de Innovación Educativa en el Desarrollo de Nuevas Competencias Orientadas a la Mejora de la Empleabilidad del Alumnado en el Ámbito Universitario

Universidad de Málaga

- Código: PIE22-114
- Entidades financiadoras: Universidad de Málaga
- Participación: Miembro del equipo de trabajo

PROYECTO DE INVESTIGACIÓN

2021-01-01 - 2024-12-31

Aether: Una aproximación holística de smart data para el análisis de datos guiado por el contexto: explotación de semántica y contexto

Universidad de Málaga

- Código: PID2020-112540RB-C41
- Entidades financiadoras: Agencia Estatal de Investigación
- Participación: Miembro del equipo de trabajo
- Investigadores principales: José Francisco Aldana Montes, Ismael Navas Delgado
- Importe total: 201102 EUR

PROYECTO DE INVESTIGACIÓN

2019-01-01 - 2023-06-30

EnBiC2-Lab: Environmental and Biodiversity Climate Change Lab

Universidad de Málaga

- Código: LifeWatch-2019-11-UMA-01
- Entidades financiadoras: FEDER
- Participación: Miembro del equipo de trabajo
- Investigadores principales: Juan Teodomiro López Navarrete
- Importe total: 11298828.13 EUR

PROYECTO DE INVESTIGACIÓN

Andalucía ISI2A2: Infraestructura y Servicios de Integración e Inteligencia de Datos en el sector de la Agroalimentación en Andalucía

Universidad de Málaga

- Código: DGP_PIDI_2024_01174
- Entidades financiadoras: Plan Andaluz de Investigación
- Participación: Miembro del equipo de trabajo
- Investigadores principales: José Francisco Aldana Montes, José Manuel García Nieto
- Importe total: 132000 EUR

CLASES Y SUPERVISIÓN

180 Horas de docencia

4 Cursos académicos

8 Asignaturas

4 Titulaciones

2 Supervisiones

1 Proyectos de innovación docente

HORAS DE DOCENCIA POR CURSO ACADÉMICO	
2022/2023	36 h
2023/2024	56.1 h
2024/2025	60 h
2025/2026	27.9 h

HORAS DE DOCENCIA POR TITULACIÓN	
Grado en Ingeniería de la Salud	90.8 h
Grado en Ingeniería Informática	72 h
Grado en Biología	11.2 h
Grado en Ingeniería del Software	6 h

INSTANTÁNEA TEMPORAL DE DOCENCIA

DOCENCIA UNIVERSITARIA2025-09-09 - 2025-12-19 Análisis y Diseño de Algoritmos Grado en Ingeniería Informática 2025/2026 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 18.0 horas	DOCENCIA UNIVERSITARIA2025-09-09 - 2025-12-19 Biología de Sistemas Grado en Ingeniería de la Salud 2025/2026 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 9.9 horas
TUTORIZACIÓN DE PRÁCTICAS EXTERNAS2025-10 Tutorización de prácticas externas extracurriculares Grado en Bioquímica Tutor externo de prácticas 300.0 horas	DIRECCIÓN DE TRABAJO FIN DE GRADO2025-06 Optimización multi-objetivo para biclustering en datos de expresión génica Grado en Ingeniería de la Salud Codirector Repositorio
DOCENCIA UNIVERSITARIA2024-09-10 - 2024-12-20 Análisis y Diseño de Algoritmos Grado en Ingeniería del Software 2024/2025 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 6.0 horas	DOCENCIA UNIVERSITARIA2024-09-10 - 2024-12-20 Análisis y Diseño de Algoritmos Grado en Ingeniería Informática 2024/2025 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 36.0 horas
DOCENCIA UNIVERSITARIA2024-09-10 - 2024-12-20 Diseño y Explotación de Almacenes de Datos Grado en Ingeniería Informática 2024/2025 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 18.0 horas	DOCENCIA UNIVERSITARIA2023-09-12 - 2023-12-22 Estándares de Datos Grado en Ingeniería de la Salud 2023/2024 Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC) 44.9 horas

DOCENCIA
UNIVERSITARIA

2023-09-11 - 2023-12-22

Informática

Grado en Biología

2023/2024

Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC)

11.2 horas

DOCENCIA
UNIVERSITARIA

2023-01-30 - 2023-05-22

Bases de Datos

Grado en Ingeniería de la Salud

2022/2023

Lenguajes y Ciencias de la Computación (LCC)

36.0 horas

DIVULGACIÓN Y
MEDIOS

TOTAL DE ACCIONES DE DIVULGACIÓN

49

ACCIONES POR TIPO

Artículos de divulgación científica	2
Presentaciones	2
Noticias de prensa	27
Acciones en redes sociales	17
Acciones en televisión	1

POR RESULTADO DE INVESTIGACIÓN

Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches

5 Noticias de prensa

Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach

1 Artículos de divulgación científica

6 Noticias de prensa

1 Acciones en redes sociales

Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks

1 Artículos de divulgación científica

1 Presentaciones

4 Noticias de prensa

7 Acciones en redes sociales

1 Acciones en televisión

Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data

1 Artículos de divulgación científica

5 Noticias de prensa

3 Acciones en redes sociales

Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks

1 Artículos de divulgación científica

1 Presentaciones

4 Noticias de prensa

4 Acciones en redes sociales

Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks

1 Artículos de divulgación científica

2 Presentaciones

1 Acciones en redes sociales

GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks

1 Artículos de divulgación científica

1 Presentaciones

3 Noticias de prensa

1 Acciones en redes sociales

ACCIONES DE DIVULGACIÓN

PRENSA 2026-07-29 <u>Un mapa para leer los virus del intestino</u> iDescubre Spanish Spain Publicaciones: <u>Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches</u>	PRENSA 2026-07-29 <u>Una inteligencia artificial desarrollada en Málaga analiza los virus del intestino y detecta posibles desequilibrios</u> La Opinión de Málaga Spanish Spain Publicaciones: <u>Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches</u>
PRENSA 2026-07-29 <u>Desarrollan un "mapa inteligente" para identificar virus asociados a la salud digestiva</u> 20 Minutos Spanish Spain Publicaciones: <u>Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches</u>	PRENSA 2026-07-29 <u>Desarrollan un 'mapa inteligente' para identificar virus asociados a la salud digestiva</u> Fundación Descubre Spanish Spain Publicaciones: <u>Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches</u>
PRENSA 2026-07-29 <u>Crean el mapa de los virus del estómago que ayuda a detectar desequilibrios en la salud digestiva</u> Nova Ciencia Spanish Spain Publicaciones: <u>Deciphering the Influence of Gut Microbiome Disruption on Human Health Through Multi-Algorithm Approaches</u>	PRENSA 2026-05-26 <u>PBEvoGen, una nueva metodología que permite al investigador orientar el proceso computacional y reducir el tiempo de cálculo</u> La Noción Spanish Spain Publicaciones: <u>Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach</u>
PRENSA 2026-05-26 <u>La metodología que reduce el tiempo de cálculo en las investigaciones científicas</u> Nova Ciencia Spanish Spain Publicaciones: <u>Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach</u>	PRENSA 2026-05-26 <u>'PBEvoGen', una nueva metodología que permite al investigador orientar el proceso computacional y reducir el tiempo de cálculo</u> Europa Press Spanish Spain Publicaciones: <u>Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach</u>
PRENSA 2026-05-26 <u>Cómo combinar inteligencia artificial y conocimiento experto para inferir redes genéticas</u> UMA Divulga Spanish Spain Publicaciones: <u>Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach</u>	PRENSA 2026-05-26 <u>'PBEvoGen', una nueva metodología que permite al investigador orientar el proceso computacional y reducir el tiempo de cálculo</u> Universidad de Málaga Spanish Spain Publicaciones: <u>Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach</u>

PRENSA

2026-05-26

Cómo combinar inteligencia artificial y conocimiento experto para inferir redes genéticas**IBIMA**

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach](#)

ARTÍCULO

2026-04-13

MOEBA-BIO: An Open and Extensible Framework for Evolutionary Biclustering in Biomedicine**ERCIM News**

Número 144

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

Paquetes software: MOEBA-BIO

INSTAGRAM

2026-03-25

Elemento de Instagram**@salud_ahora_, @ibima, @adriansegura.99**

9200 visualizaciones

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

INSTAGRAM

2026-03-19

Elemento de Instagram**@adriansegura.99**

1500 visualizaciones

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

APARICIÓN EN TELEVISIÓN

2026-03-18

Salud Ahora**Canal Málaga**

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

ARTÍCULO

2026-01-30

Context-Guided Evolutionary Algorithms for Consensus Inference of Gene Regulatory Networks**ERCIM News**

Número 143

Publicaciones: [GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks](#), [Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks](#), [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#), [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#), [Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach](#)

Paquetes software: GENECI

LINKEDIN

2025-12-19

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de PBEvoGen en Computational Biology and Chemistry.**adrian-segura-ortiz**

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de PBEvoGen en Computational Biology and Chemistry.

Publicaciones: [Multi-Objective Consensus Optimization for Gene Regulatory Networks Inference: A Preference-Based Approach](#)

PRENSA

2025-07-27

Así funciona el sistema inteligente que analiza los genes implicados en la fatiga crónica**Nova Ciencia**

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA

2025-07-27

Un nuevo sistema 'inteligente' analiza los genes implicados en la fatiga crónica

Salud a Diario

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

X

2025-07-26

Publicación en X de Sombradoble sobre BIO-INSIGHT y análisis génico basado en IA en fibromialgia y EM/SFC.

sombradoble

Publicación en X de Sombradoble sobre BIO-INSIGHT y análisis génico basado en IA en fibromialgia y EM/SFC.

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA

2025-07-25

Inteligencia artificial para dar 'voz genética' a la fibromialgia y a la fatiga crónica

iDescubre

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA

2025-07-25

Desarrollan un sistema "inteligente" que analiza los genes implicados en enfermedades como la fatiga crónica

Europa Press

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

LINKEDIN

2025-07-25

Publicación en LinkedIn sobre BIO-INSIGHT como sistema basado en IA para analizar interacciones génicas en enfermedades complejas.

Consejería Universidad, Investigación e Innovación

Publicación en LinkedIn sobre BIO-INSIGHT como sistema basado en IA para analizar interacciones génicas en enfermedades complejas.

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

LINKEDIN

2025-07-25

Publicación en LinkedIn de Fundación Descubre sobre BIO-INSIGHT y análisis génico en enfermedades relacionadas con la fatiga crónica.

Fundación Descubre

Publicación en LinkedIn de Fundación Descubre sobre BIO-INSIGHT y análisis génico en enfermedades relacionadas con la fatiga crónica.

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

INSTAGRAM

2025-07-25

Elemento de Instagram

@universidadand, @fundaciondescubre, @adriansegura.99

13400 visualizaciones

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

LINKEDIN

2025-07-15

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de BIO-INSIGHT en Computers in Biology and Medicine.

adrian-segura-ortiz

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de BIO-INSIGHT en Computers in Biology and Medicine.

Publicaciones: [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

LINKEDIN

2025-07-10

Publicación en LinkedIn de ITIS UMA compartiendo la noticia sobre MOEBA-BIO como software abierto para análisis de datos biomédicos.

ITIS UMA

Publicación en LinkedIn de ITIS UMA compartiendo la noticia sobre MOEBA-BIO como software abierto para análisis de datos biomédicos.

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

X

2025-07-10

Publicación en X de ITIS UMA compartiendo la noticia de la UMA sobre MOEBA-BIO.

itis_uma

Publicación en X de ITIS UMA compartiendo la noticia de la UMA sobre MOEBA-BIO.

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

PRENSA

2025-07-09

La Universidad de Málaga desarrolla un software de código abierto para descubrir estructuras ocultas en datos biomédicos

Europa Press

Spanish

Spain

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

PRENSA

2025-07-09

Una herramienta revolucionaria para descubrir estructuras ocultas en datos médicos

Nova Ciencia

Spanish

Spain

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

PRENSA

2025-07-09

'MOEBA-BIO', una nueva herramienta desarrollada en la UMA para descubrir estructuras ocultas en datos biomédicos

Cadena SER

Spanish

Spain

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

PRENSA

2025-07-09

'MOEBA-BIO', una herramienta para descubrir estructuras ocultas en datos biomédicos

Universidad de Málaga

Spanish

Spain

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

PRENSA

2025-07-09

Un investigador de la UMA desarrolla una herramienta para descubrir estructuras ocultas en datos biomédicos

UMA Divulga

Spanish

Spain

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

LINKEDIN

2025-06-03

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de MOEBA-BIO y su colaboración con la Universidad de Lille.

adrian-segura-ortiz

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de MOEBA-BIO y su colaboración con la Universidad de Lille.

Publicaciones: [Exhaustive biclustering driven by self-learning evolutionary approach for biomedical data](#)

REGIONAL CONGRESS 2025-05-12 - 2025-05-14
PRESENTATION

Optimización del Consenso de Múltiples Técnicas de Inferencia de Redes de Regulación Génica Desde una Perspectiva Holística Guiada por el Contexto Biológico de los Datos

Jornadas Andaluzas de Bioinformática (JABI 2025)

Málaga, Spain

Adrián Segura Ortiz

Publicaciones: [GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks](#), [Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks](#), [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#), [Multifaceted evolution focused on maximal exploitation of domain knowledge for the consensus inference of Gene Regulatory Networks](#)

Paquetes software: GENECI

X 2024-09-03

Publicación en X de ITIS UMA compartiendo un vídeo sobre el algoritmo MO-GENECI.

itis_uma

Publicación en X de ITIS UMA compartiendo un vídeo sobre el algoritmo MO-GENECI.

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

INSTAGRAM 2024-09-02

Elemento de Instagram

@_lbima, @adriansegura.99

5500 visualizaciones

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

INSTAGRAM 2024-09-02

Elemento de Instagram

@nath.biohack, @adriansegura.99

38700 visualizaciones

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA 2024-08-29

Desarrollan un algoritmo útil para la comprensión de los procesos celulares implicados en distintas enfermedades

Europa Press

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA 2024-08-29

Investigadores de Málaga crean un algoritmo para entender los procesos celulares implicados en distintas enfermedades

La Opinión de Málaga

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA 2024-08-29

Nuevo algoritmo útil para la comprensión de los procesos celulares

Salud a Diario

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

PRENSA 2024-08-29

Investigadores de IBIMA Plataforma BIONAND y la UMA desarrollan un algoritmo útil para la comprensión de los procesos celulares implicados en distintas enfermedades

IBIMA

Spanish

Spain

Publicaciones: [Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks](#)

LINKEDIN

2024-07-15

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de MO-GENECI en Computers in Biology and Medicine.

adrian-segura-ortiz

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de MO-GENECI en Computers in Biology and Medicine.

Publicaciones: **Multi-objective context-guided consensus of a massive array of techniques for the inference of Gene Regulatory Networks**

LINKEDIN

2024-07-03

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de ICCS 2024 sobre un algoritmo memético para inferencia de redes de regulación génica.

adrian-segura-ortiz

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de ICCS 2024 sobre un algoritmo memético para inferencia de redes de regulación génica.

Publicaciones: **Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks**

CONFERENCE
PRESENTATION

2024-07-02 - 2024-07-04

Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks

International Conference on Computational Science (ICCS 2024)

Málaga, Andalucía, Spain

Adrián Segura Ortiz, José Manuel García Nieto, José Francisco Aldana Montes

Publicaciones: **Exploiting medical-expert knowledge via a novel memetic algorithm for the inference of gene regulatory networks**

Paquetes software: GENECI

PRENSA

2023-08-21

Investigadores del IBIMA emplean una nueva estrategia para comprender cómo interactúan los genes

ConSalud

Spanish

Spain

Publicaciones: **GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks**

PRENSA

2023-08-19

Investigadores del IBIMA Plataforma Bionand avanzan en la comprensión de la enfermedad a nivel molecular

Europa Press

Spanish

Spain

Publicaciones: **GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks**

PRENSA

2023-08-19

Investigadores del IBIMA Plataforma Bionand avanzan en la comprensión de la enfermedad a nivel molecular

Diario Sur

Spanish

Spain

Publicaciones: **GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks**

LINKEDIN

2023-02-15

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de GENECI en Computers in Biology and Medicine.

adrian-segura-ortiz

Publicación en LinkedIn anunciando el artículo de GENECI en Computers in Biology and Medicine.

Publicaciones: **GENECI: A novel evolutionary machine learning consensus-based approach for the inference of gene regulatory networks**

ORGANIZACIONES

19 Organizaciones vinculadas

5 Países

7 Ciudades

France

LILLE

UNIVERSITY

Lille

UNIVERSITÉ DE LILLE

ULille

4 Estancias de investigación

0.5 Publicaciones

RESEARCH LABORATORY

Lille

CRISTAL

Centre de Recherche en Informatique, Signal et Automatique de Lille

ULille > CRISTAL

4 Estancias de investigación

0.25 Publicaciones

RESEARCH TEAM

Lille

ORKAD

Operational Research, Knowledge And Data

ULille > CRISTAL > ORKAD

4 Estancias de investigación

0.25 Publicaciones

RESEARCH UNIT

Lille

INFINITE

Institute for Translational Research in Inflammation

ULille > INFINITE

0.25 Publicaciones

Greece

MAROUSI

RESEARCH CENTER

Marousi

ATHENA RESEARCH CENTER

Athena Research and Innovation Center in Information, Communication and Knowledge Technologies

Athena RC

3 Estancias de investigación

THERMI

RESEARCH CENTER

Thermi

CENTRE FOR RESEARCH AND TECHNOLOGY HELLAS

CERTH

1 Estancias de investigación

RESEARCH INSTITUTE

Thermi

INAB|CERTH

Institute of Applied Biosciences

CERTH > INAB

1 Estancias de investigación

Japan

TOYONAKA

UNIVERSITY

Toyonaka

THE UNIVERSITY OF OSAKA

UOsaka

2 Estancias de investigación

GRADUATE SCHOOL

Toyonaka

GRADUATE SCHOOL OF ENGINEERING SCIENCE

School / Graduate School of Engineering Science

UOsaka > GSES

2 Estancias de investigación

RESEARCH GROUP

Toyonaka

KIYONO LAB

Kiyono Laboratory, Biophysics and Data
Science Group

UOsaka > GSES > Kiyono Lab

2 Estancias de investigación

Spain

MÁLAGA

RESEARCH INSTITUTE

Málaga

INSTITUTO DE INGENIERÍA OCEÁNICA

IIO

0.25 Publicaciones

VALENCIA

UNIVERSITY

Valencia

UNIVERSIDAD CATÓLICA DE VALENCIA

SAN VICENTE MÁRTIR

UCV

0.33 Publicaciones

UNIVERSITY

Málaga

UNIVERSIDAD DE MÁLAGA

UMA

95 Formación

116 Experiencia

5.67 Publicaciones

35 Docencia

BIOMEDICAL RESEARCH CENTER

Málaga

CIMES

Centro de Investigaciones Médico-Sanitarias

UMA > CIMES

4 Experiencia

LABORATORY

Málaga

LABORATORIO DE BIOLOGÍA MOLECULAR DEL CÁNCER

UMA > CIMES > LBMC

4 Experiencia

HEALTH RESEARCH INSTITUTE

Málaga

IBIMA PLATAFORMA BIONAND

Instituto de Investigación Biomédica de Málaga y Plataforma en Nanomedicina

UMA > IBIMA

2.83 Publicaciones

RESEARCH INSTITUTE

Málaga

ITIS

Instituto de Tecnología e Ingeniería del Software "José María Troya Linero"

UMA > ITIS

65 Experiencia

2.83 Publicaciones

RESEARCH GROUP

Málaga

KHAOS RESEARCH

Khaos Research Group

UMA > ITIS > Khaos Research

65 Experiencia

2.83 Publicaciones

Ukraine

KYIV

UNIVERSITY

Kyiv

NATIONAL TECHNICAL UNIVERSITY OF
UKRAINE "IGOR SIKORSKY KYIV
POLYTECHNIC INSTITUTE"

KPI

0.25 Publicaciones